

Alle Covid-"Varianten" scheinen aus dem Labor zu stammen

REPORT report24.news/neue-studie-alle-covid-varianten-scheinen-aus-dem-labor-zu-stammen

2. September 2023



Pokud by nedávno publikovaná japonská studie o takzvaných „variantách“ Covid obstála v akademickém zkoumání, byla by to „bomba“. Na základě jednotlivých mutací to určuje, že každá z těchto „variant“ může být ve skutečnosti vyrobena pouze uměle.

Nový předtisk zveřejněný 5. srpna 2023 naznačuje, že japonský výzkumný tým zjistil, že téměř všechny varianty Covid byly vytvořeny v laboratořích. Atsuki Tanaka a Takayuki Miyazawa z Ósacké lékařské univerzity a Kjótské univerzity zkoumali virové sekvence nalezené ve veřejných databázích a přirozeném prostředí, aby sledovali historický vývoj Omicron verze SARS-CoV-2.

Svým výzkumem našli kolem 100 unikátních omikronových podtypů, které se v přírodě ve skutečnosti nemohly vyskytovat. Tyto mutace jsou jasným důkazem rozšířené teorie, že tyto viry Covid byly vytvořeny v laboratořích a odtud se šířily. Kromě toho

tyto variace obsahují širokou škálu mutací, které se běžně používají ve studiích „reverzní genetiky“ k systematické analýze různých částí viru.

Před oznámením objevu Omicron v Jižní Africe našli vědci přesné shody s variacemi Omicron v sekvencích z Portorika uložených v databázích v roce 2020. **Tanaka a Miyazawa tvrdí, že je tomu tak u všech variant, které se objevily od počátečního vypuknutí ve Wu-chanu. To není přirozené, a proto navrhuje, aby byli součástí experimentálního programu testování faktorů, které ovlivňují infekčnost a závažnost SARS-CoV-2 v běžné populaci.** Tuto hypotézu zakládají na svém pozorování neobvykle nízkého počtu „tichých“ mutací v těchto variantách.

Tento výzkum zkoumá vývoj virů a živých věcí se zvláštním zaměřením na myšlenku genetických dat. SARS-CoV-2 je virus založený na RNA, který ukládá informace do řetězců. Genetický materiál se skládá z genů, které obsahují instrukce pro tvorbu proteinů. Buňky používají tyto geny jako vodítka pro produkci aktivních molekul nazývaných proteiny. Genetický kód je duplikován a předán dalším generacím, ale postupem času může dojít ke změnám, které vedou k mutacím.

Chcete-li porozumět různým typům mutací a jejich účinkům na organismy, zvažte následující informace: Většina mutací, které mění jedno písmeno v DNA nebo RNA, nemá žádný vliv na proteinovou sekvenci a nazývají se „synonymní“ mutace. Tyto mutace nemají žádné následky a v průběhu času se hromadí přirozeným vývojem.

Nepřítomnost synonymních mutací je zásadním indikátorem toho, že ke vzniku nových variací, jako je omikron, nedochází spontánně. Většina mutací, které mají účinek, je však pravděpodobně škodlivá a rychle zmizí. Ve vzácných případech může mutace vyústit v prospěšnou změnu, která organismu umožní

úspěšnější přežití a reprodukci, což vede k jeho šíření v dalších generacích. Toto postupné hromadění tichých a prospěšných mutací pohání evoluci všech forem života.

Vědci použili veřejné databáze ke sledování evoluční historie spike proteinu Omicron BA1 a určení pořadí, ve kterém se vyskytlo jeho 37 mutací. Za tímto účelem hledali sekvence, kterým jedna z mutací chyběla, a předpokládali, že jedna z nich bude odpovídat poslední mutaci v sérii. **Provedli 37 databázových dotazů se sekvencemi postrádajícími každou z omikronových mutací BA1 v naději, že najdou shodu, která by indikovala poslední mutaci v sérii. Výsledky ukázaly, že všechny mutace kromě jedné byly nové a nezpůsobily žádný významný rozdíl.**

Není možné, aby se přirozeně vyskytovala skupina variant s omikronovými reverzními mutacemi BA1. V diagramu ve studii autoři ukazují, že všechny mutace až na jednu v Omicron subvariantě BA1 se nacházejí v kmeni, který mutaci postrádá. To zdůrazňuje důležitost pochopení vývoje spike proteinu a jeho role ve vývoji SARS-CoV-2. Výzkum Tanaky a Miyazawy zkoumá pravděpodobnost rekombinace ve vývoji varianty SARS-CoV-2. Tvrdí, že rekombinace by vyžadovala současnou přítomnost virů Omicron BA1 a dalších virů předků ve stejné buňce, což by bylo vysoce nepravděpodobné vzhledem k zahrnutým frekvencím a potřebě četných reverzních mutací.

Pro vysvětlení zvrátů pozorovaných u Omicron BA1 by bylo nutné, aby specifická část RNA obsahující mutaci byla zvrácena rekombinací. To by vyžadovalo čistou výměnu úseku bez ovlivnění mutací na obou stranách. Některé mutace však nelze zarovnat kvůli nedostatku společných sekvencí mezi těmito dvěma kmeny. **Očekávalo se také, že rekombinace zanechá stopy v přilehlých oblastech viru, ale žádné nebyly nalezeny. Tanaka a Miyazawa objevili 29 variant připisovaných Portoriku, které se shodují s Omicron BA1 nebo BA2 na základě spike proteinových sekvencí, což vyvolává otázky o historii**

Omicronu, protože tyto sekvence předcházely objevení Omicronu v Jižní Africe v listopadu 2021, byly uloženy do databáze.

Absence „synonymních“ mutací silně naznačuje, že varianty SARS-CoV-2 byly způsobeny lidmi. **Autoři tvrdí, že přirozená evoluce by produkovala neutrálnější synonymní mutace než nesynonymní mutace, které mohou přetrvávat pouze tehdy, pokud zlepšují protein, který kódují.** Toto pozorování je nepravděpodobné, protože v předchozích variantách, jako je Alfa, Beta, Gamma, Delta nebo Mu, nebyly žádné synonymní mutace a v Lambda a Omicron pouze jedna. Přítomnost jednotlivých reverzí každé mutace ve třech omikronových liniích se zdá být záměrným cvičením v reverzní genetice, aby se otestovaly účinky každé mutace na chování viru. **Absence synonymních mutací v jiných variantách naznačuje, že všechny varianty následující po původním kmeni Wuhan jsou umělého původu.**

Autoři se domnívají, že mutace, které objevili, byly součástí experimentu, který měl studovat spike protein a jak mutace ovlivňují chování viru. Skutečnost, že neexistuje žádný důkaz spojující mnoho mutací, zejména v časných variantách, se zvýšenou virovou infekcí, naznačuje, že každá varianta byla vytvořena uměle, aby identifikovala, které aminokyseliny v proteinu S jsou zodpovědné za infekčnost a patogenitu. Pokud jsou závěry vyvozené v tomto dokumentu správné, byl by to nezvratný důkaz, že vše o SARS-CoV-2 bylo uměle zmanipulováno od jeho prvního výskytu.